

第三十四屆生物醫學聯合學術年會

論文投稿規則、範例

- 一、所有欲發表之論文投稿截稿日期：**2019年1月18日17:00PM止**。逾時不予處理。
- 二、已在其他期刊發表過的文章，恕不採用。
- 三、文字：摘要內容限以**英文撰寫**。題目需英文。作者姓名須中、英文並列（責任作者加*）。
- 四、字數：內文限英文**2500字元（含空格）**以內，不得跨頁；未按規定者不予接受。
- 五、字體及行距行高：**中文** - 標楷體；**英文** - Times New Roman；**字體大小** - 12號字。
行距 - 最小行高，行高-12；文件格線被設定時，貼齊欄位勿打勾。
英文篇名每字字首均統一為大寫。

六、所有投稿論文一律採線上繳交

請注意！凡是有意願參加「大會主題口頭論文競賽」或「學會口頭論文競賽」者，除了上傳摘要 word 檔之外，仍然需要以 PDF 的形式上傳 manuscript，以利評審進行審查，**檔案大小不可以超過 20 MB**。

(1)「大會主題口頭論文競賽」manuscript 需有指導教授推薦信函之合併 PDF 檔案。

(2)「學會口頭論文競賽」依各學會規則。

存檔：檔名為 **2019 學會名稱-第一作者姓名**。（例：**2019 臨床生化學會-陳小美**）。

- 七、投稿方式：
 1. 至網站線上投稿區下載投稿專用表格
 2. 詳細填寫投稿資料並上傳摘要檔案
 3. 至網站投稿名單確認檔案上傳成功

八、摘要撰寫**格式範例**：（**下一頁：投稿摘要表格。填寫完畢後請另存下頁表格，進行上傳。**）

| | |
|--|---|
| 1. 英文題目 → | Tumorigenicity and Transcriptional Network of an Oncogenic Zinc Finger Protein ZNF322A in Lung Cancer |
| 2. 中文姓名 → | 任婕羽 ¹ ，羅芳宜 ² ，廖昇佑 ¹ ，陳湘婷 ² ，蘇五洲 ¹ ，Ravi Salgia ³ ，阮雪芬 ⁴ ，王憶卿 ^{1,2*} |
| 3. 英文姓名 → | Jayu Jen ¹ ，Fang-Yi Lo ² ，Sheng-You Liao ¹ ，Hsiung-Ting Chen ² ，Wu-Chou Su ¹ ，Ravi Salgia ³ ，Hsueh-Fen Juan ⁴ ，Yi-Ching Wang ^{1,2*} |
| 4. 英文服務單位 → | ¹ Institute of Basic Medical Sciences, ² Department of Pharmacology, National Cheng Kung University, Tainan 70101, Taiwan, ⁴ Department of Medicine, Cancer Research Center, The University of Chicago Medical Center, Pritzker School of Medicine, Chicago, IL, 60637, USA ⁵ Department of Life Science, Institute of Molecular and Cellular Biology, National Taiwan University, Taipei, 10617, Taiwan |
| 5. 摘要內文： → 一律用英文。不分段。2500字元（含空格）以內。 右方為可參考樣本。 | <p><i>ZNF322A</i>, which encodes a classical C2H2 zinc finger transcription factor, was revealed as a potential oncogene in lung cancer patients in our previous study. However, the oncogenic role of ZNF322A and its underlying mechanism in lung tumorigenesis remain elusive. Here, we show high frequency of gene amplification and protein overexpression of ZNF322A in both Asian and Caucasian lung cancer patients with poor prognosis. Overexpression of ZNF322A enhanced cell growth, invasion and metastasis abilities <i>in vitro</i> and <i>in vivo</i>. We used quantitative proteomics to identify ZNF322A downstream proteins, many of which are involved in cancer-related processes, such as cell death, survival and migration. ZNF322A formed complex with c-Jun and cooperatively activated <i>alpha-adducin</i> and <i>cyclin D1</i> but repressed <i>p53</i> gene transcription in an AP-1 element dependent manner. Our results provide compelling evidences that overexpression of ZNF322A transcriptionally dysregulates genes in cell growth and motility therefore contributes to lung</p> |

tumorigenesis and poor prognosis.